

# 3 个新痛风易感基因被发现

来源：健康报 时间：2015.5.22

山东省痛风病临床医学中心、青岛市痛风病重点实验室、青岛大学附属医院李长贵教授团队发现 3 个全新的痛风易感基因 BCAS3、RFX3、KCNQ1，揭示了高尿酸血症患者进展为痛风的遗传机制之一。该研究结果日前发表在最新一期的《自然通讯》上。

山东省痛风病临床医学中心主任李长贵介绍，在科技部“973”计划前期研究专项和国家自然科学基金等课题资助下，研究团队采用全基因组关联分析方法，对 4275 名中国汉族男性痛风患者及 6272 例对照样本进行了基因序列分析，从而发现了 3 个全新的痛风易感基因 BCAS3、RFX3、KCNQ1。这 3 个基因此前从未出现在痛风候选基因和易感基因目录上。生物信息分析结果提示，它们可能通过参与炎症通路、调控免疫系统等不同机制，参与了高尿酸血症进展为痛风的病理过程。

据介绍，2010 年至今，该研究团队共发现 6 个痛风易感基因（包括新发现的 3 个基因），对痛风的早期筛查及早期防治具有重要意义。其发现的痛风易感基因致病位点可作为痛风治疗药物的作用靶点，为痛风的精准医疗和痛风治疗药物开发奠定基础。